

Luc Montagnier franc-tireur des Sciences:

Libre, franc-tireur(1), pluridisciplinaire et esthète de la recherche

Hommage de Jean Claude Perez

(1) Dans un art, une science, dans un groupe quelconque, personne qui agit en isolé avec une complète indépendance par rapport aux autres.

".../...Ce qui est intéressant, que mon collègue mathématicien Perez pense, c'est qu'il y a une sorte d'harmonisation des séquences de l'information génétique qui est portée aussi bien par nos propres chromosomes que par les virus.

Donc, la Nature n'accepte pas n'importe quoi, c'est à dire on peut faire n'importe quoi à la Nature.

Mais si vous faites une construction Artificielle, elle a peu de chances de survivre.

C'est à dire que la Nature aime les constructions harmonieuses et ce qui est étranger par exemple n'est pas bien toléré.../..."

Extrait de l'interview historique de Luc Montagnier affirmant l'origine manipulée en Laboratoire du virus SARS-CoV2 (émission CNews du 17 avril 2020

https://twitter.com/ike_haris/status/1483479586814017536?t=eX5FUdtvGwItLno0kka4SQ&s=19).



Luc Montagnier § J.C Perez August 2020

Quelle aventure !

Un jour de l'été de l'année 2019, Luc me téléphone, il me demande de démarrer avec lui une recherche bioinformatique sur l'analyse des ondes de cette recherche prohibée: "la mémoire de l'eau". Pour résumer, à partir de plasmas sanguins de patients atteints de

pathologies comme maladie de Lyme, alzheimer, autisme ou VIH, la technologie de hautes dilutions produit des traces d'ADN via la PCR: ces amorces PCR sont-elles relatives aux séquences ADN de certaines bactéries du sol comme herbaspirillum ou Sutterella? Ces bactéries seraient-elles impliquées comme co-facteur dans ces nouvelles maladies chroniques que Luc nommait "infections froides"?

Dans ses géniales intuitions, Luc voyait déjà très très loin:

voici son objectif scientifique précis (mail de juillet 2019):

« Bonjour, je recommence ma réponse, cette sale machine ayant apparemment tout effacé. Je vous rappelais notre but principal , la neutralisation par des antiphases de signaux emis par des ADN d'agents pathogènes. »

En acceptant avec enthousiasme cette collaboration j'ignorais que j'allais partager quasi chaque jour des 3 dernières années des recherches d'un des plus grands scientifiques du siècle...

Rétrospective :

Mais pour bien comprendre comment se mit en place ce creuset d'une recherche interdisciplinaire capable de changer de paradigme, propulsons nous 34 ans en arrière: en 1988...

Que se passe-t'il donc en cette mémorable année 1988 qui va voir fusionner des disciplines aussi diverses que l'informatique, la physico-chimie et la génétique... tout cela pour peut-être un jour révolutionner la médecine?

Luc Montagnier, lui, lutte avec l'américain Robert Gallo par articles de Science ou Nature interposés sur ce sujet brûlant honorifiquement mais surtout financièrement: qui de eux deux (et de leurs 2 pays respectifs) est le "père légitime de la découverte du virus VIH?". La bataille en paternité du virus du SIDA fut rude, voici ce que m'écrivait Luc le 5 Octobre 2021 à propos du Pr Fauci qui joua un rôle majeur à la fois dans l'épopée VIH et dans l'épopée du COVID-19 :

« Quant à la fraude de Fauci dans le Sida, je demande à voir les preuves. Il y a eu une longue discussion scientifique sur le rôle du virus dans la maladie depuis pratiquement terminée du fait que la réduction de la charge virale par la trithérapie sauve les CD4 et sauve la vie du patient, qu'il soit hemophile ou homo. La difference entre le groupe Gallo/Fauci et moi est que j'ajoute au virus un activateur intracellulaire qui est un co-facteur bactérien.La fraude de Gallo a été d'utiliser mon virus en lui donnant un autre nom qui le rapprochait des rétrovirus oncogenes alors que je lui apportait la preuve qu'il s'agissait d'un lentivirus.Ou était Fauci là dedans? Il était le pourvoyeur de fonds du laboratoire de Gallo et j'ai appris plus tard qu'il bloquait les recherches de Ruscetti et de son associée. .. LM »

En cette même année 1988 alors que la prometteuse Intelligence Artificielle (I.A) ne jure chez ses chercheurs majoritaires que par l'intelligence du cerveau gauche, celle des raisonnements formels et logiques nommés "systèmes experts", je vais à contre courant avec la piste du cerveau droit en publiant mon livre "De nouvelles voies vers l'Intelligence Artificielle: pluridisciplinarité, auto-organisation et réseaux neuronaux".

Mon réseau neuronal baptisé "chaos fractal" est hypersensible, proche de la mémoire holographique (des ondes déjà) où "le tout est la somme des parties et où chaque partie

est un résumé du tout". Cette machine est même capable de "s'ennuyer" en détectant des situations répétitives à tel point qu'un article du journal Sciences et Vie titra à son sujet "*vous avez oublié de me débrancher*"! Cette machine en s'ennuyant détecterait donc une situation d'impasse et serait capable "de changer de paradigme"!

En particulier son hypersensibilité est telle qu'elle continue de reconnaître une image dont on aurait atténué la luminosité dans un rapport de 10000...

Alors lorsque en 1988 Jacques Benveniste avec "sa mémoire de l'eau" parle de hautes dilutions à $10E120$, avec beaucoup d'imagination on peut relier ce phénomène avec mes petites dilutions de l'information dans un ordinateur, certes plus modestement, à $10E4$!

Comme je suis un chercheur libre (centre de recherches d'IBM), je vais donc voir Jacques Benveniste dans son labo de L'INSERM de Clamart pour discuter de cette analogie. Et nous sommes ainsi devenus amis. Qui aurait imaginé alors que ce serait Luc Montagnier qui prolongerait un jour cette découverte en l'étendant à l'ADN via cette magnifique technologie qu'est la PCR...

En 1988 encore débute dans un tout autre domaine, la génétique, ce projet pharaonique et mondial HUGO qui durera plus de 20 ans: le projet de séquençage des 3 milliards de paires de bases TCAG constituant le génome humain...

Alan Turing : « Pourquoi y a-t 'il des Nombres dans la Nature ? »

Quel rapport entre ces 3 domaines?

Lorsque j'essaie de comprendre l'hypersensibilité de mon réseau d'I A Fractal Chaos, je découvre que le réseau positionne ses fractales dans des régions numériques voisines du nombre d'or 1.618.

Or chacun sait que le rapport de 2 nombres successifs de Fibonacci 1 1 2 3 5 8 13 21 34 55 89 144... par exemple 34 et 21) tend vers l'inaccessible limite de Phi, le Nombre d'or.

Les Nombres de Fibonacci sont omniprésents dans la Nature: coquille du Nautilus, nombres de spirales des ananas, fleurs de tournesol, palmiers, artichauts ou pommes de pins...

J'ai alors cette intuition: il faut rechercher des proportions de Fibonacci entre les nucléotides TCAG de l'ADN: par exemple si 55 bases successives se répartissent en 21 TC et 34 AG, je noterai une "résonance"... toujours et encore des ondes!

« Changer de paradigme » :

Avec cette découverte j'allais abandonner l'intelligence Artificielle pour m'incruster en franc-tireur dans un monde hostile: celui des biologistes et des généticiens...

Que viennent faire les nombres et les mathématiques dans un monde aussi sérieux que la génétique.

Les chercheurs auxquels je présente ma découverte me toisent de haut.

Un prix Nobel de Médecine français dirigeant le labo avec lequel je valide ma découverte me dira même gentiment "*vous devez bien vous amuser avec tout ça*"!

Mis à part un quateron de biologistes à l'esprit ouvert, seul Luc Montagnier va prendre très au sérieux ma recherche.

C'est ainsi que le 22 Septembre 1993 Luc Montagnier m'organise une conférence au pavillon des rétrovirus de l'institut Pasteur afin d'y présenter mes méthodes et résultats.

Dans l'article « La Musique des Gènes » publié en 1995 dans Sciences et Avenir, il écrira « ../... le principe de la découverte de jean-claude perez m'intéresse, il est très possible que par delà les séquences, une sorte de ""supracode de l'ADN"" existe.../... ». C'est donc à Luc que je dois le nom de baptême de cette découverte « Le SUPRACODE de l'ADN »... (voir <https://fr.scribd.com/doc/262257532/1st-April-1995-SCIENCES-et-AVENIR-Magazine-La-Musique-des-Genes-avec-l-avis-du-Professeur-Luc-Montagnier>).

C'est vers cette même époque que Luc fonde à l'UNESCO la fondation mondiale pour le Sida, la FMPRS car, comme mon système Fractal Chaos capable de s'ennuyer, Luc a compris que la recherche sur le Sida ne trouvera une issue que si elle change de paradigme en adoptant une approche pluridisciplinaire. C'est ainsi qu'il proposera de participer à cette approche bien au-delà de la Médecine à d'illustres chercheurs comme le mathématicien René Thom ou le prix Nobel de chimie belge Ilya Prigogine...

Alors de 1993 jusqu'à 2019, bien des années passent, Luc Montagnier, fidèlement, m'aidera de ci de ça: conférences, publications d'articles et...

Et nous arrivons en 2019... Des Ondes dans l'ADN...

Notre analyse bioinformatique des PCR associées aux ondes de la mémoire de l'eau donnent des résultats encourageants.

Vers fin 2019, nous commençons à élaborer une explication théorique dans laquelle les ondes que je découvre par mon approche théorique du Master Code seraient conservées lorsqu'on substitue des hexagones fantômes d'oxygène (OH) de la trace ADN dans l'eau, aux hexagones CONH des paires des bases réelles TC ou AG. Luc Montagnier me fera la préface que voici à cet article sur le Master Code:

PREFACE by Professor Luc Montagnier

After the discovery of the DNA double helix structure allowing both the stable storage of genetic information and its transfer through messenger RNA to protein synthesis organelles themselves structured by RNA most abundant in cells, the ribosomal.

This wonder of nature exists in ALL living beings from the virus to humans and is based on two codes, the linear sequence of nucleotides and that derived from codons where three nucleotides allow with a certain flexibility - synonymous codons - the choice in the twenty amino acids.

But we are missing a third CODE the one governing at multicellular beings from the rotifer to human, the stabilized modulation of gene expression in a nutshell the differentiation of cells from the single cell of the fertilized egg.

It is logical to think that this program which begins as soon as fertilization is written in the DNA.

We are also prone to associate it with non-coding DNA sequences although they control gene expression.

I introduce here the notion developed by Jean-Claude Pérez of mathematical harmony, a higher order present in all living beings and whose existence it finds in genomes, including those of viruses.

Thus the natural evolution of variants of the genome of coronavirus Covid 19 tends towards increasingly long Fibonacci series.

It remains to determine the Who, the How and the Why of such developments.

I will bet with my mathematician colleague that waves and fractals play a role ...

Luc Montagnier

Perez, J. C., & Montagnier, L. . (2021). SIX FRACTAL CODES OF LIFE FROM BIOATOMS ATOMIC MASS TO CHROMOSOMES NUMERICAL STANDING WAVES: THREE BREAKTHROUGHS IN ASTROBIOLOGY, CANCERS AND ARTIFICIAL INTELLIGENCE. *International Journal of Research -GRANTHAALAYAH*, 9(9), 133–191. <https://doi.org/10.29121/granthaalayah.v9.i9.2021.4191>

DOI:

<https://doi.org/10.29121/granthaalayah.v9.i9.2021.4191>

L'épopée du COVID-19 :

Puis en plein milieu de ces recherches prometteuses sur les ondes de l'empreinte de l'ADN par l'eau, un tsunami de nouvelles recherches nous submergea dès fin janvier 2020: l'aventure de COVID-19 qui nous occupera durant 2 ans et 7 articles...

Première bataille de Luc: « l'origine manipulée du génome du virus SARS-CoV2 ».

C'est au cours du mois de janvier 2020 que le genome du virus SARS-COV2 fut accessible à tous sur internet.

Immédiatement, nous analysons cette séquence démontrant par les ondes du Master code son adaptation croissante à l'hôte humain, ainsi depuis le SARS des années 2000 les ondes stationnaires allaient en croissant sur des périodes de Fibonacci passant progressivement de 13 (SARS), puis 21, puis 34 pour SARS-COV2.

Mais surtout nous soupçonnions une petite région de 1% du génome (300 bases UCAG) qui semblait exogène, donc peut être provenant d'une manipulation en laboratoire. En particulier nous écrivions:

"Finally, we ask ourselves the question of a possible artificial origin of this genome, in particular because of the presence of fragments of HIV1, HIV2 and SIV retroviruses."

Comme le dira Luc dans son intervention historique du 17 avril 2020 sur Cnews "il s'agit presque d'un travail d'horloger"!

Cet article fut publié sur PREPRINTS dès début février 2020 et obtenait une bonne audience.

Curieusement il fut censuré le 17 février 2020 seulement 24 heures après avoir informé de cette information qui semblait majeure le ministre français de la santé. Bien sûr cette synchronisation fut sûrement le fait du hasard.

L'article fut alors publié sur un journal indien :Jean-Claude PEREZ. (2020). WUHAN COVID-19 SYNTHETIC ORIGINS AND EVOLUTION. *International Journal of Research - Granthaalayah*, 8(2), 285–324. <https://doi.org/10.5281/zenodo.3724003>

Cette affirmation va connaître un rayonnement mondial lorsque le 17 avril 2020 Luc présente ces résultats à la télévision. Des chercheurs indiens qui démontraient la même chose virent eux aussi leur article censuré. Traités de faux et complotistes en 2020 les propos sur la nature manipulée de ce virus sont en 2022 reconnus et acceptés comme quasi certains.

Voilà ce que publié "Le Point" au lendemain de l'interview de Luc:

"Une fois de plus, l'éminent professeur Luc Montagnier, Prix Nobel de médecine pour la codécouverte du virus du sida, soutient une théorie scientifique à rebrousse-poil de l'ensemble de la communauté scientifique. Avec son ami de trente ans, le mathématicien Jean-Claude Perez, il affirme que le virus Sars-CoV-2 (responsable de l'épidémie de Covid-19) a été fabriqué artificiellement en injectant des fragments du virus VIH dans un coronavirus dans un laboratoire de Wuhan.../...C'est un travail d'apprentis sorciers, poursuit le Prix Nobel de 88 ans."

La seconde grande bataille de Luc se résumait par "ce sont les vaccins covid19 qui créent les variants".

Déjà dans son interview tv du 19 avril 2020 s'appuyant sur un article que nous allions publier 3 mois plus tard, Luc Montagnier expliquait comment le virus avait déjà commencé à se débarrasser de certaines régions exogènes de son genome.

Cela veut dire que si on n'avait pas commencé à tester et mettre au point les vaccins en Angleterre, Afrique du sud, Brésil et Indes dès 2020, le virus se serait peut-être éteint dès 2020. Or ce n'est pas un hasard si les 4 variants qui allaient émerger proviennent respectivement de ces 4 pays (variants ALPHA, BETA, GAMMA et DELTA).

L'ultime troisième bataille de Luc: "le risque de maladie neurodégénérative fatale de Creutzfeldt-Jakob émergeant sitôt après le vaccin COVID-19."

Dés fin décembre 2021 nous publions avec Valère Lounnas un article démontrant que, contrairement à TOUS les variants et à tous les vaccins, seul le variant OMICRON est parvenu à se débarrasser totalement de la région Prion de la protéine Spike du virus. Or on continue de vacciner avec un vaccin construit à partir d'une séquence comportant toujours, en 2022, ce Prion.

Luc préface notre article ainsi:

Addendum "Un grand pas vers la compréhension de la Nature. Vos travaux nous permettent d'espérer que nous allons bientôt sortir du cauchemar où nous plonge la branche cretinoïde de l'Humanité".

Après avoir découvert un cas de Creutzfeldt-Jakob par les médias (il sagissait du premier cas référencé « Doyer princeps »), Luc, fidèle au serment d'Hypocrate aujourd'hui piétiné et bafoué me demande d'entrer en contact avec cette famille se souvenant d'un traitement anti oxydant qu'il expérimenta sur des prions voici près de 20 ans.

Ainsi, le 20 Novembre 2021, Luc m'écrit : « *L'entourloupe de l'ANSM : il n'y a pas de déclaration reconnue de CJD car celles qui surviennent après la vaccination évoluent trop vite pour être une CJD sporadique..Leur petit cerveau ne peut pas ou ne veut pas imaginer qu'après 2 injections de m- RNA Pfizer qui PORTE dans sa sequence un PRION prêt à s'associer à un homologue porté par le récepteur ACE (travail des Têtz 2020), les choses peuvent aller beaucoup plus vite et en deux mois aboutir à la mort. C'est la CJD iatrogène causée par le m-RNA en excès qui va jusqu'au cerveau. LM ».*

Et c'est alors que débute son ultime bataille: tenter de soigner cette maladie et rédiger avec la neurologue claire Moret-Chalmin et moi-même cet article analysant plusieurs dizaines de cas où les premiers symptômes de cette maladie fatale surgissent dix jours

sitôt la vaccination!

Luc n'aura pas connu la publication de cet article, pourtant, le 1er février 2022, à 20 heures, il me téléphonait pour en discuter, le 2 février, idem avec la neurologue: plaisantant même au téléphone, dans les deux cas il omit malicieusement de nous préciser qu'il était déjà hospitalisé!

Luc sera donc resté chercheur jusque dans son lit d'hôpital.




Aussi, par respect pour l'importance qu'il attribuait à cet ultime article, notre devoir est aujourd'hui de le finaliser et de le publier.

Luc craignait en effet que au delà des dizaines de décès dus à cette maladie recensés en quelques jours, cette maladie n'atteigne peut-être demain les millions d'enfants auxquels on impose cet inutile vaccin.

Voici la version peer review de cet article:

Emergence of a New Creutzfeldt-Jakob Disease: 26 Cases of the Human Version of Mad-Cow Disease, Days After a COVID-19 Injection

January 2023 DOI: <https://zenodo.org/record/7540331>

-  [Claire Moret-Chalmin](#)  [Luc Montagnier](#)  [Jean-Claude Perez](#)
- Pdf <https://ijvtpr.com/index.php/IJVTPR/article/view/66/182>
- Html <https://ijvtpr.com/index.php/IJVTPR/article/view/66>
- Perez, J.-C., Moret-Chalmin, C., & Montagnier, L. (2023). Emergence of a New Creutzfeldt-Jakob Disease: 26 Cases of the Human Version of Mad-Cow Disease, Days After a COVID-19 Injection. *International Journal of Vaccine Theory, Practice, and Research*, 3(1), 727–770. Retrieved from <https://ijvtpr.com/index.php/IJVTPR/article/view/66>

L'esthétique et la Recherche...

Un dimanche après-midi. Un jour de l'été 2021. Luc me téléphone... Je sors dans mon jardin car le brainstorming s'annonce long... Tandis que nous sommes partis en spéculations sur l'harmonie du génome de sars-cov2 ou peut être sur les ondes de l'ADN, Luc soudain m'interrompt "*J'entends chanter un oiseau!*". C'est un merle de mon jardin. Alors notre discussion dérive sur l'esthétique et l'harmonie du chant des oiseaux...

Luc ne pouvait qu'aimer la musique. Parce que chez tout grand chercheur le sens esthétique reste indissociable du processus de découverte. Il en est même certainement le moteur. Je me souviens de ce jour de 1994 où, dans son bureau de l'institut Pasteur, nous écoutions ensemble mon CD de "La première Musique des Gènes"... Luc s'interrogeait sur l'évidence de cette harmonie musicale des séquences de l'ADN de l'oncogène KI-RAS ou du génome HIV du SIDA.

Ainsi, à ces 3 qualités rares du chercheur d'exception que sont la liberté, le fait d'aller à contre courant, et la lucidité du changement de paradigme en allant piocher dans d'autres disciplines, il fallait ajouter ce sens de l'esthétique. Luc cumulait ces 4 qualités exceptionnelles... Et c'est pour cette simple raison que la mémoire de l'histoire des sciences, demain, élèvera Luc Montagnier tout en haut du podium des grand découvreurs du 20ème siècle...

Et j'aurai eu l'immense privilège de vivre et de chaque jour partager durant près de 3 ans ses belles et géniales intuitions.

Des regrets? Bien sûr! Luc s'en est allé trop vite... Bien sur au delà de nos passions partagées pour la recherche, j'eus le temps d'apprécier son grand humanisme, ses interrogations sur le mystère de la vie: Dieu ou bien grand architecte ou simplement auto-organisation?

Une de ses plus grandes questions à laquelle il n'aura pas eu le temps de trouver une réponse est celle du MYSTERE DE LA DIFFERENCIATION DES CELLULES : Il me relançait souvent sur cette question centrale : en 2021 Luc m'écrit : *« je ne sais pas si vous avez reçu ma question sur Pekin mais je continue : pour trouver les codes de differenciation nous supposons que les virus en possèdent déjà quelques uns qu'ils ont volé aux cellules qu'ils infectent. C'est donc le cas de notre Corona. Deux possibilités: ARN ou peptides. Donc rechercher dans le genome RNA des séquences codantes ou non codantes visant à modifier l'habillage extérieur du virion (sa "différenciation") par exemple les spicules....ou leur nombre , la construction icosaèdre... »*

Si Luc admirait ces lois du vivant, il était plus pessimiste sur les humains et le devenir de l'humanité. Mais je n'aurai pas eu le temps de découvrir et de partager son fin sens de l'humour, voire même de l'auto-dérision...



Photo de Luc Montagnier recue de l'Ile d'Oléron en Aout 2021